

ParC QRDR

```

                                1111111111111111 111111111111
CODON      666677777 8888899 999 9000000111112222 22222333333
567813789 0346901 348 9245679024590123 456789235678
POSITION   333333331233133331333133333333333333333313331333333333

SPN R6     ACGCGCGTTCTTGCTAGACATCATCTCTTCATGTTGATTGTAAACCGTGAGA
SPN 3180   .....T.....G..CTGC.C.CA..A....G....G.T..AC...C
SPN 3870   .....T.....C.AGT.....A.....C.....
SPN 4391   TA.T.T...A....C.AGT..TGC...A..A.C.....
SPN 4589   T.....T....CTAGT.....G.....C.....T
SPN 4638   .....A.....T.....
SPN 5237   .....TCAA.....G.....T.....G.G..G....GG..T..T..C
SOR 10557  T.T...TCAGCC.TC..GT.....C.....C.T...G.TTTA.A...
SOR 11427  .....T.....G..C.G.....G..C.T...G.TTTA.AG..
SMI 12261  T.T...TCAG.....G..TG.....A..C.TC...G.TTT....C
SMI 75414-2 T.T...T.AG..T..G..G.....A..TGTAC...A.G..T.A....C
SMI 181731-3 T...TTT..T....C..G.....C..T.G...T...G.TT...G.C
SMI 181732-2 ..A.TTA..T....CT..G.GC....CT...A..GAT...AG.....T...
```

ParE QRDR

```

                                444 4 44444444444 44444 444444444444444444444 44 44444444 4444 44444
CODON      011 1 1111122222 22233 33333333444444444445555 55 5556666 6666 77777
801 2 3467801234 56801 234567890124567890123 45 6780123 4568 13456
POSITION   33131333333333313333313333333333333333333333331331333313323333312333333

SPN R6     TCTGTGTGGCAATGTCTTGATCATGGCTCTTTCATTCCGCGTTCATCTTTGATACCGCGGCTAGC
SPN 3180   .A..C..TA..GC.....C.....A....C.....A.....
SPN 3870   .A..C..TA..G.AC....G.TGC.A.....T...TT.T...T.TA.....TA.....A.....
SPN 4391   C...C.....G....A.....AT..A....C.T.....TA.....T.GA..
SPN 4589   ....C..TA..G.AC....G.TGC.A.....T...TT.T...T.TA.....TA.....A.....
SPN 4638   .....G.....T.....
SPN 5237   ....C.....G.....A.....AT..A..T.C.T.....A.....
SOR 10557  C...CT...T.G.AC..A..C..CAAT.....G...TA.A.CTG...C.....T.....A.....
SOR 11427  C...CT..T.T.G.AC..A..C..CAAT.....G.C.TA.A.CTG...C.....T.....A.....
SMI 12261  C.C...A.AATGC...A.....GC..T.....A.CTG.....C.....T.G..
SMI 75414-2 .A.....G.....A.A...C..T..A...C.....ACTG.....A.....A.....
SMI 181731-3 .....GTAG.G.....C...G.....CTG..A..A.....T...A.C.A.
SMI 181732-2 .ACT.A.T..GGC..G.....GCAA.AT.AG.G.A.T...CC.TA..AG.C.TAA.TCAGC.CGA.
```

GyrA QRDR

```

                                1 1111111111111111111111 11 11111111111111 11
CODON      6666667777778888889999990 0000001111111112222223 33 33333344444445 55
0245780145891346890125670 12356912345678901236890 13 45678902346790 12
POSITION   333333333333333233333233333133333333333133333333333333333313313333333333332333

SPN R6     CATTATACCCCGCTTCCTTTACCTCTATTGTCTATATCTATTTCGACTTCGACTTTCCATATCTCTCATAG
SPN 3180   .....C.....AC...C.....GAC....G..C...T....T.....TG.G.....
SPN 3870   A...T...T..TC.....T.....C..T..G..C..CT.....T...C.....T
SPN 4391   .....C.....TC.A.C.....GAC....G..CG.CT....A..A..TG.G....T...T
SPN 4589   A...T...T..TC.....T.....C..T..G..CG.CT.....T...C.....T
SPN 4638   .....T...T.....
SPN 5237   .....A.....C.....
SOR 10557  T.AC...T...A..C.T...G.....T.GACTCGG..GGGCT.....C.T.C...A.CT.C.T
SOR 11427  T.AC...T...TT..C.T.....T.GACT..CG..GGGCT.....T.....T.C...A.CT.C.T
SMI 12261  T.....T...C.....T.....C..T..G..CG.CT.....G...T...C.....T
SMI 75414-2 T.....TC.....C..GACT..CG.TCG..T.C.....TG...T.TC...T
SMI 181731-3 T.....T...TC...G.....C.GACT..CGATCG..T...G.....G.....T...GT
SMI 181732-2 AGACC..T...A...TG.G.TTCTA.C.ACTCT..GCTA.G.AATTC..T.TGG..T...A...G..T
```