



MINISTERIO
DE CIENCIA, INNOVACIÓN
Y UNIVERSIDADES

MINISTERIO
DE SANIDAD

INSTITUTO DE SALUD CARLOS III

Unidad de Comunicación



Radiografía de la circulación en 2023 del SARS-CoV-2 en España: así se vigila la evolución genética del coronavirus

- La Red Nacional de Laboratorios Españoles de Secuenciación Genómica de SARS-CoV-2 (RELECOV), que coordina el Instituto de Salud Carlos III (ISCIII) desde su Centro Nacional de Microbiología, ha publicado un informe sobre evolución del SARS-CoV-2 en España entre octubre de 2022 y octubre de 2023.
- El informe revela datos surgidos de labores de secuenciación genómica; vigilancia de variantes, linajes y sublinajes; análisis de mutaciones; estudios filogenéticos y, en definitiva, información que permite conocer mejor el genoma del coronavirus y su transmisión.

22 de enero de 2024. El Instituto de Salud Carlos III (ISCIII), como coordinador de la Red Nacional de Laboratorios Españoles de Secuenciación Genómica de SARS-CoV-2 (RELECOV), ha dado a conocer [el informe](#) en el que se analiza la evolución de la circulación del virus entre los meses de octubre de 2022 y octubre de 2023.

La Red RELECOV está formada por 49 laboratorios distribuidos por todas las comunidades autónomas, coordinados por el Centro Nacional de Microbiología del ISCIII, y lleva desde 2021 realizando la secuenciación genómica, el estudio y la vigilancia del SARS-CoV-2 en España. Su labor es fundamental, ya que permite obtener un conocimiento clave para seguir el comportamiento y evolución del coronavirus, apoyar su estudio epidemiológico y, entre otras cuestiones, dado que el virus evoluciona y se adapta, optimizar el desarrollo de vacunas.

Durante el año de estudio que refleja este informe se han caracterizado más de 47.000 virus SARS-CoV-2, lo que ha permitido conocer su genoma y realizar el seguimiento de la circulación de la variante Ómicron y sus diferentes linajes y sublinajes, que han ido surgiendo como consecuencia de los cambios genéticos que continuamente experimenta el virus.



Se ha dado a conocer la circulación de cerca de 800 linajes y sublinajes diferentes de Ómicron en España, asignados a diferentes clados del SARS-CoV-2. Los clados son grupos filogenéticos que definen la evolución biológica del virus y su comportamiento, algo fundamental para la vigilancia y su aplicación en salud pública.

Todos los linajes y sublinajes detectados son descendientes de la variante Ómicron, predominante en España a partir de 2022. El informe revela datos de secuenciación genómica, vigilancia de variantes, análisis de mutaciones y estudios filogenéticos, y aporta información que permite conocer mejor cómo se transmite el coronavirus.

Evolución de la circulación de las variantes

En el periodo estudiado, siguiendo las directrices establecidas por la Organización Mundial de la Salud (OMS), las variantes circulantes de interés (VOI) detectadas comprenden los linajes XBB.1.5* (clado 23A), XBB.1.16* (clado 23B) y EG.5* (clado 23F). Por su parte, las variantes bajo monitorización (VUM) comprenden los linajes correspondientes a BA.2.75* (clado 22D), CH.1.1* (clado 23C), XBB* (clado 22F), XBB.1.9.1* (clado 23D), XBB.1.9.2* (clado 23D), XBB.2.3* (Clado 23E) y BA.2.86*.

El informe revela la evolución de las variantes. Se observó una disminución muy significativa en la circulación de diferentes variantes, entre ellas BA.2.75* (clado 22D), XBB.1.5*, XBB.1.9.1* y XBB.1.9.2*, y un aumento en la circulación de otras, como es el caso de EG.5*, CH.1.16* y CH.1.1*. El documento analiza la evolución de la circulación de diversos sublinajes y cómo se han ido sustituyendo unos a otros.

El documento ha sido elaborado desde el Laboratorio de Referencia e Investigación de Virus Respiratorios en el Centro Nacional de Microbiología del ISCIII. Sus autores son Sonia Vázquez-Morón, Inmaculada Casas, Vicente Mas, Francisco Pozo, María Iglesias-Caballero y los miembros de RELECOV. El equipo ya está trabajando en el análisis de los últimos meses, como parte del trabajo continuado de vigilancia.

- [El informe se puede consultar en este enlace](#) de Repisalud, el repositorio institucional de información científica del ISCIII.
- **Referencia del informe:** *Sonia Vázquez-Morón; Casas, Inmaculada; Mas, Vicente; Pozo, Francisco; Iglesias-Caballero, María, y miembros de RELECOV. Análisis anual de circulación de SARS-CoV-2 en España por RELECOV: Evaluación de linajes en seguimiento y posibles linajes emergentes (semana 40/2022 hasta semana 39/2023). Laboratorio de Referencia e Investigación en Virus Respiratorios, Centro Nacional de Microbiología, y CIBER de Epidemiología y Salud Pública (CIBERESP), ISCIII. 2024*